

Localización genómica de la resistencia a Roya Amarilla y Mancha Borrosa en Cebada

URUGUAY, PERÚ, SYRIA, UNITED STATES

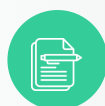


Webstory



Solución tecnológica

Identificación, caracterización y localización de QTLs para resistencia a Roya Amarilla (*Puccinia striiformis*) y a Mancha Borrosa (*Cochliobolus sativus*).



Descripción tecnológica

Se caracterizó fenotípicamente una población de 330 líneas de cebada para resistencia a Roya y Mancha. La caracterización genotípica se la realizó mediante 1536 SNPs.



Impactos y resultados

- Se detectaron 22 QTLs para resistencia a Mancha y Roya, la mayoría en regiones genómicas sin reportes previos, lo que permite concluir que se trata de nuevas resistencias.
- Se comenzó un proceso de construcción de pirámides de genes de resistencia utilizando la resistencia ya conocida y alguna de las nuevas resistencias detectadas.
- Se consolidó una red de colaboración y apoyo técnico entre los participantes del proyecto y otros colaboradores.
- Se formaron recursos humanos en el uso de herramientas genómicas en apoyo al mejoramiento genético.



9

QTLs de resistencia a
Roya Amarilla



13

QTLs de resistencia a
Mancha Borrosa



2

Publicaciones
Científicas



15

Presentaciones en
Congresos